

**AVALIAÇÃO DA IDENTIFICAÇÃO DE SALMONELLA ENTERITIDIS DA CADEIA  
PRODUTIVA DE AVES COM BASE NA ANÁLISE DE POLIMORFISMO DE DNA POR  
RAPD**

Francielli Mello Ferri<sup>1</sup>

Cristian Antunes de Almeida<sup>2</sup>

César Milton Baratto<sup>1,2</sup>

Jane Mary Lafayette Neves Gelinski<sup>1,2</sup>

<sup>1</sup>-Programa de Mestrado em Ciência e Biotecnologia

<sup>2</sup> Curso de Bacharelado em Biotecnologia Industrial

Resumo

Nesta pesquisa o objetivo foi isolar, determinar o perfil de susceptibilidade a antibióticos e caracterizar bioquímica e molecularmente linhagens de Salmonella enterica subesp. enterica Enteritidis de diferentes pontos da cadeia produtiva de frango. Sessenta linhagens de Salmonella Enteritidis tiveram seu perfil de susceptibilidade (resistência/sensibilidade) a antimicrobianos determinado por teste antibiograma. Isolados dos quinze sorotipos mais prevalentes no estudo e cinquenta e dois isolados de Salmonella Enteritidis obtidos em estudo prévio foram analisados quanto ao polimorfismo de DNA através da técnica de RAPD com o primer OPB15. Para a análise do polimorfismo gerado foi utilizado o software WinBoot, de acordo com os princípios adotados em taxonomia numérica UPGMA (Unweighed Pair-Group Methods Analysis), a partir dessa análise foram obtidos

dendrogramas, detectando similaridades entre os sorotipos de Salmonella, e suas capacidades na identificação, caracterização e diferenciação genética entre os isolados. A partir do antibiograma, observou-se resistência aos antibióticos Eritromicina e Espiramicina em 100% dos isolados. Todos os isolados foram sensíveis a Fosfomicina. Foram encontrados 56 (93,33%) isolados multi-resistentes (resistentes a três ou mais antimicrobianos). A técnica mostrou-se altamente promissora para estudos de caracterização e diferenciação dos sorotipos de Salmonella e ainda, um alto potencial de discriminação entre os isolados de S. Enteritidis, evidenciando pelo dendrograma de similaridade obtido por UPGMA baseado no coeficiente de Jacard.

Palavras-chaves: Rastreabilidade. Enterobactéria. Resistência a antimicrobianos.

E-mails: [franmelloferri@hotmail.com](mailto:franmelloferri@hotmail.com); [cesar.baratto@unoesc.edu.br](mailto:cesar.baratto@unoesc.edu.br)